伍、結果與討論

一、角蛋白分解酶之生產與純化

1、B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶之最適培養時間

根據張(1999)所確立 B. licheniformis THSC-1 之最適培養條件(50 ℃, pH 8.5), 將活化之 THSC-1 菌株於羽毛培養基中分別進行靜態(0) rpm)與振盪(120 rpm)培養,使產生酵素活性,結果如圖一所示, THSC-1 菌株在振盪培養之狀態下,於第3至4 天產生之酵素活性最 高,以第3天產生之酵素活性為100%,至第5天略有下降為88.7%, 但並無顯著差異(P>0.05);且第2至5天振盪培養所產生之酵素活性 顯著較靜態培養為高(P<0.05),顯示 THSC-1 菌株於羽毛培養基中產 生角蛋白分解酶必須要有充足之氧氣,在靜態培養下雖然也會產生角 蛋白分解酶,但因溶氧程度不足,表現相當微弱。故後續純化及分析 試驗即以 50 ℃ pH 8.5, 120 rpm 振盪培養 4 天作為 B. licheniformis THSC-1 生產酵素之條件,此結果與Lin 等人(1992)對 B. licheniformis PWD-1 生產酵素所設立之條件(50°C, pH 7.5, 120 rpm, 振盪培養4 天)除了最適 pH 外,其餘皆相同。

2、角蛋白分解酶位置之確認

在進行酵素純化之前,首先要確認此酵素是屬於胞內酵素或胞外

酵素,因為酵素產生位置不同,會影響後續之純化步驟。胞外酵素由 菌體分泌至細胞外,因此可直接由培養液中獲取;胞內酵素存在於細 胞內,必須打破細胞才能獲得,通常利用超音波震盪(ultrasonication) 打破菌體細胞,超音波作用過程容易產熱,必須全程在冰浴下進行, 並且振1分鐘隨即休息1分鐘,以避免因溫度上升而造成酵素活性下 降。清洗後之菌體細胞以超音波打破,即可分析細胞內角蛋白分解酶 活性。

結果如表二所述,可發現角蛋白分解酶幾乎都分泌至細胞外,酵素活性為 414.43 U/mg,細胞內則偵測不到酵素活性;故可確定 B. licheniformis THSC-1 生產之角蛋白分解酶是屬於胞外酵素。目前已知 的角蛋白分解酶皆是屬於胞外酵素,因為此酵素存在之目的是水解環 境中之角蛋白以作為菌體自身生理所需之碳源 (Bockle et al., 1995), 與胞內酵素作用於菌體本身合成及代謝之意義不同。

3、角蛋白分解酶之純化

B. licheniformis THSC-1 於羽毛培養基培養4天後,收集培養液經 過濾、離心而得到的粗酵素液,經酵素活性及蛋白質濃度測定,得粗 酵素液之酵素活性為5464.4 U,蛋白質含量為15 mg,比活性為364.3 U/mg。進一步將獲得之粗酵素液利用蛋白質濃縮離心管濃縮約10 倍,

以備後續之純化工作;此裝置利用超過濾原理,使用孔徑為分子量截 留(MWCO)10kDa之濾膜,讓分子量在10kDa以下的分子通過, 此方式除了濃縮之功能外,同時能達到包括脫鹽及無菌過濾等目的。 此步驟所得濃縮酵素之酵素活性為4392.4U,蛋白質含量為6.6mg, 酵素純化倍率較粗酵素階段僅提高1.8倍,表示此階段已去過濾掉大 部分無活性之雜蛋白,但無明顯之純化效果。

濃縮之酵素液接著注入充填 CM-cellulose 膠體管柱,它是一種弱 陽離子交換樹脂,利用擔體 CM 基團(-OCH₂CO₂)帶負電,目標蛋 白質帶正電,所以 pH 在等電點以下時可利用 CM-cellulose 來分離帶正 電之蛋白;利用鹽濃度或 pH 值之變化以溶離管柱內的蛋白,溶離方 式有連續梯度 (continuous gradient) 及階段梯度 (stepwise gradient) (呂和林, 1991)。

本試驗使用鹽濃度的連續梯度來進行溶離,結果如圖三所示,當 樣品注入之後,馬上出現大量蛋白質之波峰,這些為雜蛋白,故不收 集;當 NaCl 濃度增加時,吸附於膠體上之蛋白質逐漸被沖提出來,在 13 至 16 劃分處 (fraction) 有蛋白分解活性高峰產生,且蛋白質濃度也 集中出現於此波峰處,此時之鹽濃度約為 20 mM NaCl。將每一劃分管 分別進行酵素活性及蛋白質濃度測定,得純化之酵素活性為 2115.8 U, 蛋白質含量為 0.5 mg,比活性為 4231.6 U/mg。

綜合以上酵素之純化步驟整理成表二,以粗酵素液之純化倍率為1 倍,可得知經過超過濾及弱陽離子交換層析,酵素之純化倍率為11.6 倍(以酵素比活性計算),產率為39%(以酵素總活性計算),表示角 蛋白分酶已達到純化效果。然而蛋白質回收率甚低,主要在超過濾階 段流失62%之蛋白質,推測原因為粗酵素液中含有較多分子量小於 30kDa之雜蛋白,隨著超過濾的過程被去除掉;也可能是酵素分泌量 原本就不多,影響回收率。

雖然,前人之研究文獻中角蛋白分解酶之純化,如 S. pactum DSM 40530 經親和層析法純化獲得 64.8 倍之純化酵素(Bockle et al., 1995); B. licheniformis PWD-1 經離子交換層析則得到純化 70 倍之酵素(Lin et al., 1992)。本研究之 B. licheniformis THSC-1 純化倍率為 11.6 倍,相對較低,推測原因 THSC-1 採小規模之培養及純化,且粗酵素之蛋白質量較 DSM 40530 和 PWD-1 都低,各別為 15、98、142 mg,故日後可擴大培養規模與修正純化之條件,以改進純化效果。不過此酵素目前仍以基礎研究為主,不需要大量生產,故暫時不考慮此問題。



圖二、B. licheniformis THSC-1 產生角蛋白分解活性之最適培養時間。

Fig. 2. Optimal culture time for keratinolytic activity by *B. licheniformis* THSC-1 in feather medium.

 $^{^{}a-d}$ mean values which have the different superscript are significantly different (P < 0.05).

- 表二、B. licheniformis THSC-1 產生之胞內及胞外酵素活性
- Table 2. Intracellular and extracellular enzyme activity was produced by *B. licheniformis* THSC-1

	Total activity	Total protein	Specific activity	
	(Units)	(mg)	(U/mg)	
Extracellular enzyme	3771.3	9.1	414.4	
Intracellular enzyme	nd*	9.0	nd*	

*nd: not detected.



圖三、角蛋白分解酶於 CM-cellulose 管柱之離子交換層析圖。

Fig. 3. The distribution of keratinase on CM-cellulose cation ion exchange chromatogram .

表三、B. licheniformis THSC-1 產生之角蛋白分解酶純化結果

Table 3. Purification of keratinase produced by B. licheniformis THSC-1

Step	Total activity	Total protein	Specific activity	Purfication fold	Yield (%)
	(Units) *	(mg)	(U/mg)		
Crude enzyme	5464.4	15	364.3	1	100
Ultrafiltration	4392.4	6.6	665.5	1.8	80
Ion exchange	2115.8	0.5	4231.6	11.6	39

*酵素活性單位(Unit)定義為每分鐘分解 azocasein,使磺胺酸含量增加 1μmol 所需之酵素量。

The amount of keratinase yield the equivalent of 1 μ mol of sulfanilic acid per min after reaction with azocasein.

二、角蛋白分解酶之一般生化特性探討

由於本酵素在應用上仍以粗酵素之型態為主,較符合經濟原則, 故以 B. licheniformis THSC-1 產生之粗酵素液做為以下分析之材料。

1、酵素作用之最適溫度

將粗酵素液於 30 至 80℃不同溫度下與 azocasein solution 進行反應,其相對活性如圖四所示,當反應溫度由 30 提高至 70℃,酵素活性明顯提高 (P<0.05),70℃酵素活性最高,故以此為最適作用溫度,其次是 60℃ (P>0.05),當溫度到達 80℃引發酵素之熱變性,即高溫使酵素蛋白質原本摺疊之立體結構(folding)崩解成延伸狀態(unfolding) (陳,1989),導致酵素活性又顯著下降。

2、酵素作用之最適 pH

將粗酵素液與不同 pH 之 azocasein solution 進行反應,結果如圖五 所示,在 pH 8.0 時之酵素活性最高,故為最適作用 pH;其次為 pH 8.5 (P>0.05),相對地當偏酸或越偏鹼時,酵素蛋白質分子的離子狀態隨 pH 而改變,使酵素活性皆明顯下降 (P<0.05),故屬於鹼性蛋白酶。

綜合以上酵素作用之最適溫度及 pH (70℃, pH 8.0), 可證明 B. licheniformis THSC-1 產生之角蛋白分解酶具有嗜鹼性及嗜高溫的特 性;絕大多數角蛋白分解酶也都具有此特性,如同菌屬之 B. licheniformis PWD-1 之角蛋白分解酶最適作用條件為 50℃及 pH 7.5 (Lin et al., 1992),放線菌 S. pactum DSM 40530 為 65 ℃與 pH 8 (Bockle et al., 1995); F. pennavorans 是由高溫溫泉中分離出來的一株 角蛋白分解菌,其酵素之最適條件為 80 ℃與 pH 10.0 (Friedrich et al., 1996)。相較於一般蛋白酶之最適作用溫度介於 30 至 40℃, pH 在中性 範圍,角蛋白分酶的嗜鹼性及嗜高溫特性則頗利於工業之應用。

3、酵素熱安定性

將粗酵素液與 30 至 80℃之不同溫度下保溫1小時,其相對活性如 圖六所示,在 40℃保溫1小時之處理組酵素活性最高,其次是 30℃及 50℃,較 40℃相對地有 92.6% 之活性,且三者之間無顯著差異;當處 理溫度高於 60℃,則相對活性顯著下降 (P < 0.05),尤其在 70 和 80 ℃下保溫之熱安定性最差,其相對活性僅剩 12.7% 及 10.3%。

將熱安定性較佳之 30 至 60℃ 組進行長時間 8 天之熱安定性試驗, 結果如圖七所示,結果顯示隨著儲存天數的增加,4 組酵素活性均有下 降之情形;且隨著溫度的提高,酵素活性相對降低;當反應進行至第 2 天,50 和 60℃ 兩組酵素活性即有顯著降低 (P<0.05),其殘留活性分 別為 73.6 % 和 35.7 %;至第 8 天 30 至 60℃ 組之殘留活性分別為 68.8、 53.6、32.6 和 4.1%。 4、酵素之 pH 安定性

將粗酵素液在不同 pH 條件下靜置 1 小時,並置於 4℃以排除溫度 對酵素活性之影響,結果如圖八所示,在弱鹼性 pH7.5 至 9 範圍內之 酵素活性為最高 (P>0.05),在弱酸性至鹼性 (pH 5 至 11)皆能保持 85 % 以上之相對活性,表示對 pH 安定之範圍相當廣,而酸性 pH 3 和4下相對活性則明顯偏低,分別為 27 %及 70 % (P<0.05)。

另針對 pH 安定性進行長時間 8 天之試驗,結果如圖九所示,第2 天時 pH 3 和 4 之活性就開始有明顯下降的情形 (P<0.05),其餘各組 則表現稍微下降之趨勢 (P>0.05);第8 天試驗終點時,以 pH 8 之殘 留活性最高 (77.5%),pH 5 至 11 各組仍保持 61%以上之活性 (P> 0.05),顯示此酵素在酸性較不安定,而在弱酸性至鹼性環性下則能保 持至少一週良好之安定性。

一般而言,酵素在應用上受到許多的限制性,特別是受溫度和 pH 變化而影響酵素本身安定性,在操作及貯存過程中造成之酵素失活 (inactivation)問題,會影響活性的表現(張,1976)。本研究之 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶在 60℃保溫 1 小時仍有 87 % 之酵 素活性,在 50℃保溫 6 天也維持將近 50 % 之活性;在 pH 安定性方面 則有很寬廣之安定範圍, pH 5 至 11 皆能保持良好之活性(61 %以上殘 留活性),並長達 8 天。其他的角蛋白分解酶,例如 S. pactum DSM 40530 生產之蛋白酶在 50 ℃保存 24 小時可保持約 50 % 之殘留活性(Bockle et al., 1995); Nam (2002)則提出 F. islandicum AW-1 在 100 ℃保存 90 分鐘仍可保持約 50 % 之殘留活性,於 25℃下 pH 7 至 10 之範圍則 能保持穩定之活性。

雖然目前文獻上對於酵素安定性之優劣並無定義可言,但相較之 下 B. licheniformis THSC-1之角蛋白分解酶對溫度及 pH 變化均具有良 好之安定性,並且作用之時效性亦較其他角蛋白分解酶更長。

5、保存性

將粗酵素液於-80℃、4℃及室溫25℃下保存20天,其殘留酵素活 性如圖十所示,其中以-80℃保存維持酵素活性之效果最佳,其次是4 ℃,其保存20天之殘留活性分別為95.5%和91.4%,室溫25℃保存 至第2天開始酵素活性即有顯著下降之情形,效果雖不如其他兩組, 但20天時之殘留活性仍有61.2%。

Lin 等人(1992)提出 B. licheniformis PWD-1 之角蛋白分解酶能夠 穩定地儲存於-20°C (儲存 19 天酵素活性僅下降 7 %),於4°C儲存 19 天酵素活性僅下降 20%,而在室溫(20 至 25°C)下酵素活性之半衰期 為4 至 5 天;相較之下, B. licheniformis THSC-1 之角蛋白分解酶具有 較佳之保存性,更利於工業之使用。



圖四、溫度對 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶活性之影響。

Fig. 4. Effect of temperature on the activity of keratinase from *B. licheniformis* THSC-1.

 $^{^{}a-d}$ mean values which have the different superscript are significantly different (P < 0.05).



圖五、pH 對 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶活性之影響。

Fig. 5. Effect of pH on the activity of keratinase from *B. licheniformis* THSC-1.

^{a-g} mean values which have the different superscript are significantly different (P < 0.05).



圖六、不同溫度對 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶安定性之影響。

Fig. 6. The thermostability of the keratinase from *B. licheniformis* THSC-1 at various temperatures for 1 h.

^{a-c} mean values which have the different superscript are significantly different (P < 0.05).



- 圖七、長時間下不同溫度對 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶安定 性之影響。
- Fig. 7. The thermostability of the keratinase from *B. licheniformis* THSC-1 at various temperatures for 8 days.



- 圖八、不同 pH 對 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶安定性之影響。
- Fig. 8. Effect of various pH on the stability of keratinase from *B. licheniformis* THSC-1.

 $^{^{\}rm a-d}$ mean values which have the different superscript are significantly different (P < 0.05).



- 圖九、長時間下不同 pH 對 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶安定 性之影響。
- Fig. 9. Effect of various pH on the stability of keratinase from *B. licheniformis* THSC-1 for 8 days.



圖十、儲存溫度對 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶安定性之影響。 Fig. 10. Effect of temperature of storage on the stability of keratinase from B. licheniformis THSC-1.

1、蛋白酶抑制劑對酵素活性之影響

粗酵素液與含有不同濃度抑制劑之 azocasein solution,於70℃反 應 30 min 後,所測得之酵素活性如表四所示。並以對照組之酵素活性 為100%,結果顯示0.1至1mM之抑制劑PMSF較其他三種類型之抑 制劑及對照組皆有顯著之抑制效果(P < 0.05),其相對活性分別為 40.8、24.0 及 5.8%,且三者之間亦有顯著之差異(P<0.05);接受另 外三種抑制劑作用之處理組與對照組之間則無顯著差異(P>0.05)。 此結果顯示本蛋白酶只被絲胺酸蛋白酶抑制劑 PMSF 所抑制,而不受 硫醇蛋白酶、金屬蛋白酶或酸性蛋白酶之專一性抑制劑(E-64, Pepstatin A、EDTA)所抑制,故判斷本研究之之蛋白酶屬於絲胺酸蛋白酶。目 前已知的角蛋白分解酶中,就酵素活性位置之特性分類,絕大部份都 屬於絲胺酸蛋白酶型態,例如 B. licheniformis PWD-1、S. pactum DSM 40530 和 F. pennavorans 等(Lin et al., 1992; Bockle et al., 1995; Friedrich et al., 1996), 但並非所有的絲胺酸蛋白酶都具有角蛋白分解能力; Rozs 於 2001 年時篩選出一具有角蛋白分解活性之 B. licheniformis K-508 能 夠同時分泌絲胺酸蛋白酶和硫醇蛋白酶,經酵素活性分析發現其中具 有角蛋白分解活性的是硫醇型蛋白酶,而非原本預期的絲胺酸蛋白酶。

2、天然角蛋白基質專一性之研究

B. licheniformis THSC-1 之角蛋白分解酶對 4 種角蛋白基質一豬 毛、羊毛、頭髮及雞毛在經過 4 天反應後,利用茚三酮反應分析第 0 天及第 4 天之總游離胺基酸濃度變化,結果如圖十一所示,第 0 天時 豬毛、羊毛、頭髮及雞毛皆有微量之胺基酸釋出,總胺基酸濃度分別 為 25、117、32、55 mg/L,這是因為這 4 種角蛋白基質溶液前先經過 高溫高壓滅菌處理,對角蛋白造成之物理性破壞,使得 4 種角蛋白有 不同程度之胺基酸流失,其中以羊毛受高溫高壓破壞之情形最為嚴 重。經過 4 天角蛋白分解酶作用後 4 種角蛋白基質總胺基酸濃度皆顯 著上升 (P < 0.05),豬毛、羊毛、頭髮及雞毛分別增加了 5.2、1.8、 9.0、8.7 倍之胺基酸釋出,其中以頭髮和雞毛增加幅度最高,其次為豬 毛,而羊毛的胺基酸釋出最少。

另以角蛋白分解酶作用前後之 4 種角蛋白基質以掃描式電子顯微 鏡觀察(如圖十二),發現豬毛、羊毛、頭髮及雞毛之表面經角蛋白分 解酶處理後,皆較處理前有明顯剝離之現象,尤其是頭髮和雞毛表面 被破壞之情況最為嚴重,此點與總胺基酸濃度分析之結果正好符合。

同一酵素對不同種類之角蛋白基質有不同程度之分解能力,原因 與各種角蛋白中所具有之鍵結強度有關,大量胱胺酸所形成之雙硫鍵 則與角蛋白強韌度之關係最為密切; B. licheniformis THSC-1 之角蛋白

分解酶能分解多種堅硬的角蛋白基質,對於畜牧廢棄物之處理及其它 工業之應用,則能提供更多樣化的應用方向。Nakanishi 等人(1974) 也提出 Streptomyces 產生之鹼性蛋白酶能在強鹼的狀態下分解頭髮、羽 毛和羊毛等角蛋白基質,在 30℃作用 72 小時分別有 2%、3% 和 6% 等程度之分解,而對蠶絲分解效果則不明顯,故在生產胺基酸之應用 上,選擇合適的角蛋白來源亦是很重要的。

3、酵素動力學

以不同濃度之 azocasein solution ([S]) 與粗酵素液進行反應,測定 其酵素活性,並換算反應速率,以 1/V 對 1/[S]作圖,可得一回歸直線 (如圖十三),此回歸直線與 Y 軸之截距為 1/V_{max},與 X 軸之截距為 -1/Km;根據此公式求得 B. licheniformis THSC-1 之角蛋白分解酶水解 azocasein 之 Km 值為 0.19 mM 及最大反應速率 V_{max} 值為 370.17 mol/min/mg。

然而目前角蛋白分解酶文獻中,酵素動力學方面的探討並不多, 也沒有固定的試驗模式可循,Bockle(1995)針對 S. pactum DSM 40530 所作之酵素動力學探討是以人工合成之胜肽為酵素基質,對長鏈胜肽 Suc-Ala-Ala-Ala-pNA 及Suc-Ala-Ala-Pro-Phe-pNA之Km值分別為0.98 mM 及 0.55 mM。 4、Azocasein 與 azokeratin 之酵素動力學關係

此試驗各別測定角蛋白分解酶對可溶性蛋白基質-azocasein 及不 溶性蛋白基質-azokeratin 之酵素動力學反應。以不同濃度之 azokeratin solution 與酵素進行反應,測定其酵素活性,並換算反應速率,依據上 述之公式分析酵素對 azokeratin 之酵素動力學,劃出雙倒數圖(如圖十 四),並求得 B. licheniformis THSC-1 之角蛋白分解酶水解 azokeratin 之 Km 值為 6.3 mM 及 V_{max} 值為 21.69 mol/min/mg,此結果代表 B. licheniformis THSC-1 之角蛋白分解酶除了能分解水溶性酪蛋白,亦可 分解不溶性的角蛋白基質。

一般而言,Km可代表酵素對基質的親和性(affinity),低Km值 表示酵素與基質有高親和力,反之高Km值表示酵素與基質之親和力 低(呂和林,1991);而V_{max}的意義指在足夠的基質濃度下,一定量的 酵素所能催化的最高反應速率。故由表五可知 azocasein 與 azokeratin 之酵素動力學關係比較結果,得B.licheniformis THSC-1之角蛋白分解 酶對水溶性基質 azocasein 與不溶性的 azokeratin 的水解作用,對 azocasein 具有較高之親和力,且最大反應速率也明顯較高。Lin 等 (1992)也指出B.licheniformis PWD-1之角蛋白分解酶較其他種類之 蛋白水解酶能分解多種蛋白基質,包括水溶性牛血清白蛋白(BSA)、 酪蛋白及不溶性膠原蛋白(collagen)、彈力蛋白(elastin)及角蛋白等。

- 表四、不同抑制劑對於 B. licheniformis THSC-1 之角蛋白分解酶活性之影響
- Table 4. Effect of various inhibitors on the activity of keratinase from *B. licheniformis* THSC-1

Inhibitor	Specifity of inhibitor	Effective concentration (mM)	Residual activity (%)
control			100 ^a
E-64	Thiol protease	0.001	98.8 ^a
		0.005	98.7^{a}
		0.01	99.0 ^a
Pepstatin A	Acid protease	0.0001	99.3 ^a
-	-	0.0005	99.6 ^a
		0.001	99.6 ^a
PMSF	Serine protease	0.1	40.8 ^b
	1	0.5	24.0°
		1	5.8 ^d
EDTA	Metalloprotease	1	99.3 ^a
	F F-	5	97.7 ^a
		10	97.4 ^a

 $^{a-d}$ mean values which have the different superscript are significantly different (P < 0.05).



- 圖十一、不同角蛋白基質受 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶分解4 天之游離胺基酸濃度變化。
- Fig. 11. Free amino acid concentrations of various keratinous proteins degraded by keratinase from *B. licheniformis* THSC-1 for 4 days.



- 圖十二、不同角蛋白基質受 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶分解 4 天之電子顯微結構圖。
- Fig. 12. Scanning electron micrographs of various keratinous proteins degraded by keratinase from *B. licheniformis* THSC-1 during 4 days.



- 圖十三、B. licheniformis THSC-1 之角蛋白分解酶分解 azocasein 之雙倒 數圖。
- Fig. 13. Double reciprocal plot of keratinase from *B.licheniformis* THSC-1 against azocasein.



- 圖十四、B. licheniformis THSC-1 之角蛋白分解酶分解 azokeratin 之雙 倒數圖。
- Fig. 14. Double reciprocal plot of keratinase from *B.licheniformis* THSC-1 against azokeratin.

表五、B. licheniformis THSC-1 之角蛋白分解酶之酵素動力學參數 Table 5. Kinetic parameters of keratinase from *B.licheniformis* THSC-1

Enzyme	Substrate	Km (mM)	V _{max} (mol/min/mg)
Keratinase	azocasein	0.19	370.17
	azokeratin	6.3	21.69

四、DNA 序列分析

在以上之分析中已確定 B. licheniformis THSC-1 產生之蛋白酶具有 角蛋白分解能力,為了更加確定以上之結果,因此對其 DNA 序列進行 選殖及序列分析,並與其它已知的角蛋白分解酶序列進行比對,探討 其相似性與演化關係。

1、選殖

根據Lin 等人(1995)所發表 B.licheniformis PWD-1 之角蛋白分解 酶序列(ker A),設計其專一性合成引子—Primer A1 及 A2,以 B. licheniformis THSC-1之 genomic DNA 為模板進行 PCR 擴殖反應,電 泳結果顯示得單一 DNA band (如圖十五),此片段長度約為 1250 bp, 與預期長度(1243 bp)極為相符,也與Lin 等人(1995)所發表 ker A 基因序列長度相符合。

2、限制性內切酶檢測

上述之 PCR 產物與 pGEM-T vector 進行接和後,經轉殖及質體 DNA 純化後,利用限制性內切酶(Not I)進行剪切,藉以檢測目標基 因是否確實存在,結果如圖十六所示,得到兩片段,一片段符合 Vector 長度 3015 bp,另一片段也與角蛋白分解酶基因 1243 bp 相符。

3、角蛋白分解酶基因之序列分析

圖十七為委託源資生物科技公司進行序列分析所獲得之序列圖,得 角蛋白分解酶基因序列共有 1243 個核酸,其中 1137 個核酸為可表現 蛋白質之序列,轉譯(translation)成 379 個胺基酸之蛋白質序列,包 含 perprotein(29 個胺基酸)、proprotein(76 個胺基酸)和 mature protein (274 個胺基酸)。酵素活性中心之天門冬胺酸、組胺酸、絲胺酸殘基 位置於 A32、H63、S220;並利用 NCBI 基因資料庫比對,與 Lin 等人 所發表 B. licheniformis PWD-1 之 ker A 基因序列相似度為 99%(如圖 十八),兩者序列之前、中段並無差異,而尾段有 5 個核酸有差異。此 結果顯示 THSC-1 產生之角蛋白分解酶與 PWD-1 產生之角蛋白分解酶 極為相似。

B. licheniformis THSC-1 之角蛋白分解酶與枯草菌蛋白酶家族 (subtilisin family) 中產生角蛋白分解酶之菌株 B. licheniformis PWD-1 (ker A)、B. licheniformis Carlsberg NCIMB 6816 (Sub C)、B. licheniformis ATCC 12759(Sub C)及 B. licheniformis NCIMB 10689(Sub C)進行比對,結果(如圖十九)顯示 B. licheniformis THSC-1之角蛋 白分解酶之胺基酸序列與此4個不同來源之序列皆有很高之相似性, 差異度皆在 0.5%以內; PWD-1、NCIMB 6816、ATCC 12759、NCIMB 10689與THSC-1不同處分別為mature protein之 V222、mature protein 之 K144、proprotein之 N29、preprotein之 L15; THSC-1於 222 位置之 丙胺酸殘基(A222)與大部分枯草菌酵素相同(Siezen et al., 1997)而 與 KerA 之纈胺酸殘基(V222)不同,因此可推論 B. licheniformis THSC-1之角蛋白分解酶亦屬於枯草菌蛋白酶家族之成員。

另一方面,A222 與酵素活性中心之絲胺酸殘基位置 S220 相當靠 近,Evans 等(2000) 推測 PWD-1 角蛋白分解酶(KerA)之 V222 可 能與此酵素對受質之專一性有關,且纈胺酸(V)支鏈多於丙胺酸(A) 支鏈,則可能增強對角蛋白質之分解能力,故 mature protein之 222 位 置可視為基因定點突變之最佳位置。圖二十為 B. licheniformis THSC-1 之演化關係圖,得知 THSC-1 與 NCIMB 10689 之演化關係最為親近, 其次是 ATCC 12759,而與 PWD-1 和 NCIMB 6816 關係較遠。

藉由 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶基因序列之確立,期望 提供日後研究之參考,未來更可配合基因工程,如基因重組和定點突 變技術,使本土菌酛 B. licheniformis THSC-1 產生之角蛋白分解酶之安 定性提高並大量生產,增加工業應用價值。



- 圖十五、以聚合酶連鎖反應擴殖之 B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解 酶基因片段。
- Fig. 15. The keratinase gene from *B. licheniformis* THSC-1 specifically amplified by PCR.
- (M: Marker ;Line 1: keratinase DNA fragment)



圖十六、角蛋白分解酶基因以限制酶 (Not I) 剪切之電泳分析圖。

- Fig. 16. Electrophoresis analysis of restriction fragments from digesting the keratinase gene with Not I.
- (M: Marker; Line 1,2,3: restriction fragments)

- 1 <u>ATG</u>ATGAGGA AAAAGAGTTT TTGGCTTGGG ATGCTGACGG CCTTCATGCT M M R K K S F W L G M L T A F M L →**pre**
- 51 CGTGTTCACG ATGGCATTCA GCGATTCCGC TTCTGCTGCT CAACCGGCGA V F T M A F S D S A S A A Q P A K →pro
- 101 AAAATGTTGA AAAGGATTAT ATTGTCGGAT TTAAGTCAGG AGTGAAAACC N V E K D Y I V G F K S G V K T
- 151 GCATCTGTCA AAAAGGACAT CATCAAAGAG AGCGGCGGAA AAGTGGACAA A S V K K D I I K E S G G K V D K
- 201 GCAGTTTAGA ATCATCAACG CGGCAAAAGC GAAGCTAGAC AAAGAAGCGC Q F R I I N A A K A K L D K E A L
- 251 TTAAGGAAGT CAAAAATGAT CCGGATGTCG CTTATGTGGA AGAGGATCAT K E V K N D P D V A Y V E E D H
- 301 GTGGCCCATG CCTTGGCGCA AACCGTTCCT TACGGCATTC CTCTCATTAA V A H A L A Q T V P Y G I P L I K →mature
- 351 AGCGGACAAA GTGCAGGCTC AAGGCTTTAA GGGAGCGAAT GTAAAAGTAG A D K V Q A Q G F K G A N V K V A
- 401 CCGTCCTGGA TACAGGAATC CAAGCTTCTC ATCCGGACTT GAACGTAGTC V L D T G I Q A S H P D L N V V
- 451 GGCGGAGCAA GCTTTGTGGC TGGCGAAGCT TATAACACCG ACGGCAACGG G G A S F V A G E A Y N T D G N G
- 501 ACACGGCACA CATGTTGCCG GTACAGTAGC TGCGCTTGAC AATACAACGG H G T H V A G T V A A L D N T T G
- 551 GTGTATTAGG CGTTGCGCCA AGCGTATCCT TGTACGCGGT TAAAGTACTG V L G V A P S V S L Y A V K V L
- 601 AATTCAAGCG GAAGCGGATC ATACAGCGGC ATTGTAAGCG GAATCGAGTG N S S G S G S Y S G I V S G I E W
- 651 GGCGACAACA AACGGCATGG ATGTTATCAA TATGAGCCTT GGGGGAGCAT A T T N G M D V I N M S L G G A S

(接下頁)

701	CAGGCTCGAC	AGCGATGAAA	CAGGCAGTCG	ACAATGCATA	TGCAAGAGGG
	GST	A M K	Q A V D	ΝΑΥ	A R G
751	GTTGTCGTTG	TAGCTGCAGC	AGGGAACAGC	GGATCTTCAG	GAAACACGAA
	V V V V	A A A	G N S	G S S G	NTN
801	TACAATTGGC	TATCCTGCGA	AATACGATTC	TGTCATCGCT	GTTGGCGCGG
	T I G	Y P A K	Y D S	VIA	V G A V
851	TAGACTCTAA	CAGCAACAGA	GCTTCATTTT	CCAGTGTGGG	AGCAGAGCTT
	D S N	S N R	A S F S	S V E	A E L
901	GAAGTCATGG	CTCCTGGCGC	AGGCGTATAC	AGCACTTACC	CAACGAACAC
	E V M A	P G A	G V Y	S T Y P	T N T
951	TTATGCAACA	TTGAACGGAA	CGTCAATGGC	TTCTCCTCAT	GTAGCGGGAG
	Y A T	L N G T	S M A	S P H	V A G A
1001	CAGCAGCTTT	GATCTTGTCA	AAACATCCGA	ACCTTTCAGC	TTCACAAGTC
	A A L	I L S	K H P N	L S A	S Q V
1051	CGCAACCGTC	TCTCCAGCAC	GGCGACTTAT	TTGGGAAGCT	CCTTCTACTA
	R N R L	S S T	A T Y	L G S S	FYY
1101	TGGGAAAGGT G K G	CTGATCAATG L I N V	TCGAAGCTGC E A A	CGCTCAATAA A Q *	CATATTCTAA
1151	CAAATAGCAT	ATAGAAAAAG	CTAGTGTTTT	TAGCACTAGC	TTTTTCTTCA

1201 TTCTGATGAA GACTGTTCAA TATTTTGAAT CCGTTCCATG ATC

- 圖十七、B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶基因之核酸與胺基酸序列。
- Fig. 17.The nucleotide sequence and encoded amino acid sequence of keratinase gene from *B. licheniformis* THSC-1.

(_: start codon; \square : stop codon)

1 215	ATGATGAGGAAAAAGAGTTTTTGGCTTGGGATGCTGACGGCCTTCATGCTCGTGTTCACG 60 IIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIII	1
61 275	ATGGCATTCAGCGATTCCGCTTCTGCTGCTCAACCGGCGAAAAATGTTGAAAAGGATTAT 120) 1
121 335	ATTGTCGGATTTAAGTCAGGAGTGAAAACCGCATCTGTCAAAAAGGACATCATCAAAGAG 180) 1
181 395	AGCGGCGGAAAAGTGGACAAGCAGTTTAGAATCATCAACGCGGCAAAAGCGAAGCTAGAC 240) 1
241 455	AAAGAAGCGCTTAAGGAAGTCAAAAATGATCCGGATGTCGCTTATGTGGAAGAGGATCAT 300) 1
301 515	GTGGCCCATGCCTTGGCGCAAACCGTTCCTTACGGCATTCCTCTCATTAAAGCGGACAAA 360)
361 575	GTGCAGGCTCAAGGCTTTAAGGGAGCGAATGTAAAAGTAGCCGTCCTGGATACAGGAATC 420) 1
421 635	CAAGCTTCTCATCCGGACTTGAACGTAGTCGGCGGAGCAAGCTTTGTGGCTGGC) 1
481 695	TATAACACCGACGGCAACGGACACGGCACACATGTTGCCGGTACAGTAGCTGCGCTTGAC 540 IIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIIII) 1
541 755	AATACAACGGGTGTATTAGGCGTTGCGCCAAGCGTATCCTTGTACGCGGTTAAAGTACTG 600) 1
601 815	AATTCAAGCGGAAGCGGATCATACAGCGGCATTGTAAGCGGAATCGAGTGGGCGACAACA 660) 1

(接下頁)

661	AACGGCATGGATGTTATCAATATGAGCCTTGGGGGAGCATCAGGCTCGACAGCGATGAAA	720
875	AACGGCATGGATGTTATCAATATGAGCCTTGGGGGGAGCATCAGGCTCGACAGCGATGAAA	934
721	CAGGCAGTCGACAATGCATATGCAAGAGGGGTTGTCGTTGTAGCTGCAGCAGGGAACAGC	780
935	CAGGCAGTCGACAATGCATATGCAAGAGGGGTTGTCGTTGTAGCTGCAGCAGGGAACAGC	994
781	GGATCTTCAGGAAACACGAATACAATTGGCTATCCTGCGAAATACGATTCTGTCATCGCT	840
995	GGATCTTCAGGAAACACGAATACAATTGGCTATCCTGCGAAATACGATTCTGTCATCGCT	1054
841	GTTGGCGCGGTAGACTCTAACAGCAACAGAGCTTCATTTTCCAGTGTGGGAGCAGAGCTT	900
1055	GTTGGTGCGGTAGACTCTAACAGCAACAGAGCTTCATTTTCCAGTGTGGGAGCAGAGCTT	1114
901	GAAGTCATGGCTCCTGGCGCAGGCGTATACAGCACTTACCCAACGAACACTTATGCAACA	960
1115	GAAGTCATGGCTCCTGGCGCAGGCGTATACAGCACTTACCCAACGAACACTTATGCAACA	1174
961	TTGAACGGAACGTCAATGGCTTCTCCTCATGTAGCGGGAGCAGCAGCTTTGATCTTGTCA	1020
1175	TTGAACGGAACGTCAATGGTTTCTCCTCATGTAGCGGGAGCAGCAGCAGCTTTGATCTTGTCA	1234
1021	AAACATCCGAACCTTTCAGCTTCACAAGTCCGCAACCGTCTCTCCAGCACGGCGACTTAT	1080
1235	AAACATCCGAACCTTTCAGCTTCACAAGTCCGCAACCGTCTCTCCAGCACGGCGACTTAT	1294
1081	TTGGGAAGCTCCTTCTACTATGGGAAAGGTCTGATCAATGTCGAAGCTGCCGCTCAATAA	1140
1295	TTGGGAAGCTCCTTCTACTATGGGAAAGGTCTGATCAATGTCGAAGCTGCCGCTCAATAA	1354
1141	CATATTCTAACAAATAGCATATAGAAAAAGCTAGTGTTTTTAGCACTAGCTTTTTCTTCA	1200
1355	CATATTCTAACAAATAGCATATAGAAAAAGCTAGTGTTTTTAGCACTAGCTTTTCTTCA	1414
1201	TTCTGATGAAGACTGTTCAATATTTTGAATCCGTTCCATGATC 1243	
1415	TTCTGATGAAGGTTGTCCAATATTTTGAATCCGTTCCATGATC 1457	

- 圖十八、B. licheniformis THSC-1 與 B. licheniformis PWD-1 角蛋白分解 酶核酸序列之比對。
- Fig. 18.Comparison of the DNA sequence for keratinase gene from *B. licheniformis* THSC-1 with the one from *B. licheniformis* PWD-1.

NCIMB 6816 MMRKKSFWLG MLTAFMLVFT MAFSDSASAA QPAKNVEKDY IVGFKSGVKT THSC-1 MMRKKSFWLG MLTAFMLVFT MAFSDSASAA QPAKNVEKDY IVGFKSGVKT ATCC 12759 MMRKKSFWLG MLTAFMLVFT MAFSDSASAA QPAKNVEKNY IVGFKSGVKT PWD-1 MMRKKSFWLG MLTAFMLVFT MAFSDSASAA QPAKNVEKDY IVGFKSGVKT NCIMB 10689 MMRKKSFWLG MLTALMLVFT MAFSDSASAA QPAKNVEKDY IVGFKSGVKT →pre →pro

51

1

100

150

200

50

	NCIMB_6816	ASVKKDIIKE	SGGKVDKQFR	IINAAKAKLD	KEALKEVKND	PDVAYVEEDH
	THSC-1	ASVKKDIIKE	SGGKVDKQFR	IINAAKAKLD	KEALKEVKND	PDVAYVEEDH
	ATCC_12759	ASVKKDIIKE	SGGKVDKQFR	IINAAKAKLD	KEALKEVKND	PDVAYVEEDH
	PWD-1	ASVKKDIIKE	SGGKVDKQFR	IINAAKAKLD	KEALKEVKND	PDVAYVEEDH
I	NCIMB_10689	ASVKKDIIKE	SGGKVDKQFR	IINAAKAKLD	KEALKEVKND	PDVAYVEEDH

101 NCIMB 6816 VAHALAQTVP YGIPLIKADK VQAQGFKGAN VKVAVLDTGI QASHPDLNVV THSC-1 VAHALAQTVP YGIPLIKADK VQAQGFKGAN VKVAVLDTGI QASHPDLNVV

ATCC 12759 VAHALAQTVP YGIPLIKADK VQAQGFKGAN VKVAVLDTGI QASHPDLNVV PWD-1 VAHALAQTVP YGIPLIKADK VQAQGFKGAN VKVAVLDTGI QASHPDLNVV NCIMB 10689 VAHALAQTVP YGIPLIKADK VQAQGFKGAN VKVAVLDTGI QASHPDLNVV →mature

151

		101				200
	NCIMB_6816	GGASFVAGEA	YNTDGNGHGT	HVAGTVAALD	NTTGVLGVAP	SVSLYAVKVL
	THSC-1	GGASFVAGEA	YNTDGNGHGT	HVAGTVAALD	NTTGVLGVAP	SVSLYAVKVL
	ATCC_12759	GGASFVAGEA	YNTDGNGHGT	HVAGTVAALD	NTTGVLGVAP	SVSLYAVKVL
	PWD-1	GGASFVAGEA	YNTDGNGHGT	HVAGTVAALD	NTTGVLGVAP	SVSLYAVKVL
ľ	NCIMB_10689	GGASFVAGEA	YNTDGNGHGT	HVAGTVAALD	NTTGVLGVAP	SVSLYAVKVL

201

250

NCIMB 6816 NSSGSGSYSG IVSGIEWATT NGMDVINMSL GGASGSTAMK QAVDNAYAKG THSC-1 NSSGSGSYSG IVSGIEWATT NGMDVINMSL GGASGSTAMK QAVDNAYARG ATCC 12759 NSSGSGSYSG IVSGIEWATT NGMDVINMSL GGASGSTAMK QAVDNAYARG PWD-1 NSSGSGSYSG IVSGIEWATT NGMDVINMSL GGASGSTAMK QAVDNAYARG NCIMB 10689 NSSGSGSYSG IVSGIEWATT NGMDVINMSL GGASGSTAMK QAVDNAYARG

(接下頁)

251 300 NCIMB_6816 VVVVAAAGNS GSSGNTNTIG YPAKYDSVIA VGAVDSNSNR ASFSSVGAEL THSC-1 VVVVAAAGNS GSSGNTNTIG YPAKYDSVIA VGAVDSNSNR ASFSSVGAEL ATCC_12759 VVVVAAAGNS GSSGNTNTIG YPAKYDSVIA VGAVDSNSNR ASFSSVGAEL PWD-1 VVVVAAAGNS GSSGNTNTIG YPAKYDSVIA VGAVDSNSNR ASFSSVGAEL NCIMB_10689 VVVVAAAGNS GSSGNTNTIG YPAKYDSVIA VGAVDSNSNR ASFSSVGAEL

	301				350
NCIMB_6816	EVMAPGAGVY	STYPTNTYAT	LNGTSMASPH	VAGAAALILS	KHPNLSASQV
THSC-1	EVMAPGAGVY	STYPTNTYAT	LNGTSMASPH	VAGAAALILS	KHPNLSASQV
ATCC_12759	EVMAPGAGVY	STYPTNTYAT	LNGTSMASPH	VAGAAALILS	KHPNLSASQV
PWD-1	EVMAPGAGVY	STYPTNTYAT	LNGTSMVSPH	VAGAAALILS	KHPNLSASQV
NCIMB_10689	EVMAPGAGVY	STYPTNTYAT	LNGTSMASPH	VAGAAALILS	KHPNLSASQV

351 379 NCIMB_6816 RNRLSSTATY LGSSFYYGKG LINV~~~~ THSC-1 RNRLSSTATY LGSSFYYGKG LINVEAAAQ ATCC_12759 RNRLSSTATY LGSSFYYGKG LINV~~~~ PWD-1 RNRLSSTATY LGSSFYYGKG LINVEAAAQ NCIMB_10689 RNRLSSTATY LGSSFYYGKG LINV~~~~

圖十九、不同來源角蛋白分解酶之胺基酸序列比較。

Fig. 19. The multiple sequence alignment of different keratinase from various *Bacillus*.



圖二十、不同來源角蛋白分解酶之演化關係圖。

Fig. 20. Evolutionary analysis of the keratinase gene from various Bacillus.

陸、結論

- 1、本研究以 B. licheniformis THSC-1 為醱酵菌株,其所生產之角蛋白 分解酶為胞外蛋白酶,由酵素活性位置之特性分類之,是屬於絲胺 酸蛋白酶;粗酵素液經純化後酵素活性由 364.3 U/mg 提高至 4231.6 U/mg,得到純化 11.6 倍之酵素,其產率為 39%。
- 2、B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶之最適作用溫度及 pH 值分別 為 70℃與 pH 8.0,是屬於嗜熱性鹼性蛋白酶;並具有良好之熱穩定 性及 pH 穩定性,在 50℃保溫 6 天仍可維持將近 50% 之活性, pH 5 至 11 保存 8 天後皆保持 80% 以上之活性;可穩定地長期儲存於 4℃以下之低溫條件,而於室溫下儲存 20 天也仍有 61.2% 之殘留活 性。
- 3、B. licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶能分解多種角蛋白基質,雞毛、羊毛、豬毛及人類頭髮經過此酵素作用4天後,游離胺基酸濃度皆顯著上升,其中頭髮和雞毛分別增加9.0和8.7倍,分解效果最佳。
- 4、根據 Lineweaver-Burk 雙倒數作圖法計算酵素動力學參數, B.
 licheniformis THSC-1 角蛋白分解酶對 azocasein 與 azokeratin 之 Km

值分別為 0.19 及 6.3 mM, V_{max} 值分別為 370.17 及 21.69 mol/min/mg,表示對 azocasein 具有較高之親和力,且最大反應速率 也明顯較高。

5、經核酸序列分析得 B. licheniformis THSC-1 之角蛋白分解酶基因序 列共有 1137 個核酸,轉譯成 379 個胺基酸之蛋白質序列,並與枯草 菌蛋白酶家族中數種角蛋白分解酶有高度的相似性,故屬於枯草菌 蛋白酶家族之成員。