

## 第一章 簡介

在臨床實驗上，我們把‘長期存活率’(long-term survival rate)視為癌症治癒的指標。例如：追蹤5年後，腫瘤是否有復發，若沒有復發，表示以後再發生的可能性很低，因此我們把‘長期存活率’當做癌症治好的指標。由此看來，估計‘長期存活率’顯得相當重要。

為什麼會有‘設限’資料產生呢？設限的種類很多，隨著領域的不同，所著重討論的設限情形也會不同。一般可分為型一設限(Type censoring)、型二設限(Type censoring)、隨機設限(Random censoring)以及其他型式的設限。型一設限和型二設限主要出現在工程應用上。隨機設限則較常發生在醫學的臨床實驗或動物研究上，本文所討論的設限即屬於隨機設限(Random censoring)。臨床實驗中，設限發生的原因大致有以下兩點：(1)假設我們訂某一個時間點為計畫結束的時間，但在計畫中途持續有病人進來，其就診時間會不滿此時間，因此會成為設限資料。(2)在計畫中途有病人轉診或是死於其他原因，無法繼續觀察結果，也會成為設限資料。

存活分析中，經常探討‘長期存活率’和一些因子之間的相關性。例如臨床實驗中研究天之存活率。若無病人的存活時間在天之內設限，我們可以利用典型的邏輯斯迴歸分析該資料。然而，大多

數的臨床實驗由於病人持續的就診，因此某些病人之存活時間在 天之內設限。若將設限資料去除，則分析出現偏差。Jung(1996)提出一估計值  $\hat{b}$  用以估計隨機設限資料下長期存活率邏輯斯迴歸之參數。第二章中，我們從分群的觀點探討 Jung 的方法。第三章中，利用 Rao and Scott (1992) 的方法，我們提出另一估計值  $\tilde{b}$ ，並證明  $\tilde{b}$  比  $\hat{b}$  漸近有效。此外，依據  $\tilde{b}$  之卡方檢定可用於模式適合度檢定。我們以一臨床資料闡釋此方法。在第四章中，我們以模擬比較  $\hat{b}$  和  $\tilde{b}$  在有限樣本下之性質。最後在第五章做個討論。

## 第二章 Jung 的方法

令  $T_j$  ( $j=1,2, \dots, n$ ) 表示個體  $j$  發生某一事件前所經歷的時間，例如：死亡、腫瘤復發等等。令  $Z_j^*$  為相對於個體  $j$  之已知共變數向量。假設族群依據  $Z^*$  區分為  $k$  個子族群 (表示為  $D_1, \dots, D_k$ )。對於邏輯斯迴歸模型而言，‘長期存活率’  $p_i = P(T_i \geq t) = f_i(\mathbf{b})$  滿足

$$\log[ f_i(\mathbf{b}) / \{1 - f_i(\mathbf{b})\} ] = z_i^T \mathbf{b} \quad (i = 1, \dots, k)$$

其中  $z_i$  為源於  $Z^*$  之維度  $s \times 1$  已知共變數向量，為維度  $s \times 1$  未知迴歸參數向量。

若無病人的存活時間在 天之內設限，我們可以利用典型的邏輯斯迴歸分析該資料。而  $\mathbf{b}$  之最大概似解可經由下列遞迴解求得

$$Z^T D_n \hat{\mathbf{f}} = Z^T D_n \mathbf{q} \quad (2.1)$$

其中  $Z^T = (z_1, \dots, z_k)$  為維度  $s \times k$  已知共變數矩陣，其秩(rank)為

$$s, \hat{\mathbf{f}} = (f_1(\hat{\mathbf{b}}), \dots, f_k(\hat{\mathbf{b}}))^T \quad D_n = \text{diag} \{n_1, \dots, n_k\}$$

$$\mathbf{q} = (q_1, \dots, q_k)^T$$

其中  $q_i = n_{i1} / n_i$ ， $n_i$  為第  $i^{\text{th}}$  子族群之樣本數，

而  $n_{i1}$  為該子族群中存活時間超過 天之個數。

對於設限資料，我們僅觀察到  $(X_j, \mathbf{d}_j)$  ( $j=1, 2, \dots, n$ )

其中

$$X_j = \min(T_j, C_j) \quad , \quad d_j = I_{[T_j \leq C_j]}$$

$C_1, \dots, C_n$  為設限時間。假設  $C_j$ 's 為 iid 且和  $T_j$ 's 獨立。

在每一子族群  $D_i (i = 1, \dots, k)$  中，假設設限時間之分配同為

$G_i(c) = P(C_j \leq c | j \in D_i)$  因無法觀察到所有  $T_j$ 's，故  $n_{i1}$ 's 未知。Jung (1996) 以  $\hat{n}_{i1} = \sum_{j \in D_i} I_{[X_j \geq t]} / [1 - \hat{G}_i(t)]$  取代 (2.1) 中的  $n_{i1}$ ，其中  $\hat{G}_i(t)$  為  $G_i(t)$  之 Kaplan-Meier (1958) 估計值。以下說明  $\hat{n}_{i1}$  的推導：

(推導)：

$$\begin{aligned} & E\left\{ \sum_{j \in D_i} I(X_j \geq t | Z_j) \right\} \\ &= \sum_{j \in D_i} P(X_j \geq t | Z_j) = \sum_{j \in D_i} P(T_j \geq t | Z_j) P(C_j \geq c | Z_j) \\ &= \sum_{j \in D_i} S_i(t) [1 - G_i(t)] = n_i S_i(t) [1 - G_i(t)] \\ & E\left\{ \sum_{j \in D_i} I(X_j \geq t | Z_j) / [1 - G_i(t)] \right\} = n_i S_i(t) \\ & \hat{n}_{i1} = \sum_{j \in D_i} I_{[X_j \geq t]} / [1 - \hat{G}_i(t)] \end{aligned}$$

其中  $\hat{G}_i(t) = 1 - \prod_{c_j \leq t} \left( \frac{n_i - j}{n_i - j + 1} \right)^{1-d_j}$  (Kaplan-Meier 估計值)，

因  $\hat{n}_{i1} = n_i \hat{p}_i$  其中  $\hat{p}_i$  為  $p_i$  之 Kaplan-Meier 估計值，

Jung (1996)所提的估計值  $\hat{\mathbf{b}}$  相當於下列'擬'概度等式之遞迴參數解:

$$Z^T D_n \hat{\mathbf{f}} = Z^T D_n \hat{\mathbf{p}}$$

其中  $\hat{\mathbf{p}} = (\hat{p}_1, \dots, \hat{p}_k)^T$  和  $\hat{\mathbf{f}} = (f_1(\hat{\mathbf{b}}), \dots, f_k(\hat{\mathbf{b}}))^T$ 。

令  $w_i$  為第  $i^{\text{th}}$  子族群個數佔總數的比例,

假設  $(\hat{n}_i/n) - w_i = o_p(1)$  ( $i=1, \dots, k$ ), 則當

$n \rightarrow \infty$ ,  $\sqrt{n}(\hat{\mathbf{p}} - \mathbf{f}(\mathbf{b}))$  分配收斂致  $N(0, V_w)$ 。

其中  $V_w = \text{diag}\{V_1/w_1, \dots, V_k/w_k\}$ ,  $V_i$  為當  $n \rightarrow \infty$  時,

$$\sqrt{n_i}(\hat{p}_i - f_i(\mathbf{b})) \text{ 的漸近變方。 } V_i = (\bar{G}_i(t))^2 \int_0^t \frac{dG_i^*(t)}{[1 - H_i(t)]^2},$$

$$\bar{G}_i(t) = 1 - \bar{G}_i(t), G_i^*(t) = P(C_j \leq t, \mathbf{d}_j = 0 | j \in D_i), H_i(t) = P(X_j \leq t | j \in D_i)。$$

依此,  $\sqrt{n}(\hat{\mathbf{b}} - \mathbf{b})$  分配收斂致  $N(0, V_{\hat{\mathbf{b}}})$ 。

其中  $V_{\hat{\mathbf{b}}} = (Z^T \Delta Z)^{-1} (Z^T D_w V_w D_w Z) (Z^T \Delta Z)^{-1}$ ,

$$D_w = \text{diag}\{w_1, \dots, w_k\}, \Delta = \text{diag}\{w_1 p_1 (1 - p_1), \dots, w_k p_k (1 - p_k)\}。$$

下一章中, 我們提出另一估計值  $\tilde{\mathbf{b}}$ , 並證明  $\tilde{\mathbf{b}}$  比  $\hat{\mathbf{b}}$  漸近有效。

### 第三章 取代估計值

定義  $c_i = V_i / p_i(1 - p_i)$  為第  $i^{th}$  子族群之`設限效應'。此  $c_i$  表示由於設限所導致的變方膨脹，其類似於抽樣的`設計效應'(參閱 Robert, Rao and Kumar 1987)。現在，以  $\hat{c}_i = \hat{V}_i / \hat{p}_i(1 - \hat{p}_i)$  估計  $c_i$ 。其中  $\hat{V}_i = (1 - \hat{G}_i(\mathbf{t}))^2 \sum_{c_j \leq t} \frac{1 - d_j}{(n_i - j)(n_i - j + 1)}$  (Greenwood (1926)

之  $V_i$  估計值)。

定義  $\tilde{n}_i = n_i / \hat{c}_i = n_i [\hat{p}_i(1 - \hat{p}_i)] / \hat{V}_i$  為`有效樣本數'，

利用 Rao and Scott (1992)方法，以  $\tilde{n}_i$  和  $\tilde{n}_{i1} = \tilde{n}_i \hat{p}_i$

取代(2.1)中的  $n_i$  和  $n_{i1}$ 。

另一估計值為  $\tilde{\mathbf{b}}$  `擬' 概度等式之遞迴參數解：

$$\mathbf{Z}^T D_{\tilde{n}} \tilde{\mathbf{f}} = \mathbf{Z}^T D_{\tilde{n}} \hat{\mathbf{p}}$$

其中  $D_{\tilde{n}} = \text{diag} \{ \tilde{n}_1, \dots, \tilde{n}_k \}$ ， $\tilde{\mathbf{f}} = (f_1(\tilde{\mathbf{b}}), \dots, f_k(\tilde{\mathbf{b}}))^T$ 。

因  $\hat{V}_i = V_i + o_p(1)$ , ( $i = 1, \dots, k$ )，

當  $n \rightarrow \infty$  時， $\sqrt{n}(\tilde{\mathbf{b}} - \mathbf{b})$  分配收斂致  $N(0, V_{\tilde{\mathbf{b}}})$ 。

其中  $V_{\tilde{\mathbf{b}}} = (\mathbf{Z}^T \Delta_c \mathbf{Z})^{-1}$ ， $\Delta_c = \text{diag} \left\{ \frac{w_1 p_1^2 (1 - p_1)^2}{V_1}, \dots, \frac{w_k p_k^2 (1 - p_k)^2}{V_k} \right\}$

接下來，我們比較  $\hat{\mathbf{b}}$  和  $\tilde{\mathbf{b}}$ 。以下定理證明  $V_{\hat{\mathbf{b}}} - V_{\tilde{\mathbf{b}}}$  為半正定矩陣 (positive semidefinite)。

### 定理 3.1

$V_{\hat{b}} - V_{\bar{b}}$  為半正定矩陣 (positive semidefinite)。

證明:

令  $C = \text{diag} \{c_1, \dots, c_k\}$ , ( $i = 1, \dots, k$ ) ,  $c_i = V_i / [p_i(1 - P_i)]$  , 則

$$\begin{aligned} V_{\hat{b}} &= (Z^T \Delta Z)^{-1} (Z^T D_w V_w D_w Z) (Z^T \Delta Z)^{-1} \\ &= (Z^T \Delta Z)^{-1} (Z^T C \Delta Z) (Z^T \Delta Z)^{-1} , \end{aligned}$$

$$V_{\bar{b}} = (Z^T \Delta_c Z)^{-1} = (Z^T C^{-1} \Delta Z)^{-1}$$

我們僅需證明對於任一  $k \times 1$  向量  $y$  ,

$$y^T [(Z^T \Delta Z)^{-1} (Z^T C \Delta Z) (Z^T \Delta Z)^{-1} - (Z^T C^{-1} \Delta Z)^{-1}] y \geq 0 \quad (3.1)$$

令  $u = \Delta Z (Z^T \Delta Z)^{-1} y$  , 則  $u^T = y^T (Z^T \Delta Z)^{-1} Z^T \Delta$  。

(3.1) 式的第一項為

$$\begin{aligned} & y^T [(Z^T \Delta Z)^{-1} (Z^T C \Delta Z) (Z^T \Delta Z)^{-1}] y \\ &= y^T (Z^T \Delta Z)^{-1} Z^T \Delta \Delta^{-1} C u = u^T \Delta^{-1} C u = u^T C \Delta^{-1} u . \end{aligned}$$

(3.1) 式的第二項為

$$\begin{aligned} & y^T [(Z^T C^{-1} \Delta Z)^{-1}] y \\ &= y^T (Z^T \Delta Z)^{-1} (Z^T \Delta Z) (Z^T (\Delta^{-1} C)^{-1} Z)^{-1} (Z^T \Delta Z) (Z^T \Delta Z)^{-1} y \\ &= u^T Z (Z^T (C \Delta^{-1})^{-1} Z)^{-1} Z^T u . \end{aligned}$$

則(3.1) 相當於

$$u^T [C \Delta^{-1} - Z (Z^T (C \Delta^{-1})^{-1} Z)^{-1} Z^T] u \geq 0 \quad (3.2)$$

令  $C \Delta^{-1} = A^2$ ,  $v = Au$ ,  $H = A^{-1} Z$  , 則(3.2)相當於

$$v^T [I_{k \times k} - H (H^T H)^{-1} H^T] v \geq 0 \quad (3.3)$$

$$v^T v = u^T A^T A u = u^T A^2 u = u^T C \Delta^{-1} u ,$$

$$(H^T H)^{-1} = (Z^T A^{-1} A^{-1} Z)^{-1} = (Z^T (C \Delta^{-1})^{-1} Z)^{-1}$$

$$\begin{aligned} v^T [H (H^T H)^{-1} H^T] v &= u^T A A^{-1} Z (Z^T (C \Delta^{-1})^{-1} Z)^{-1} Z^T A^{-1} A u \\ &= u^T Z (Z^T (C \Delta^{-1})^{-1} Z)^{-1} Z^T u \end{aligned}$$

(3.2)式 = (3.3)式。

其中  $v^T [I_{k \times k} - H (H^T H)^{-1} H^T] v$  為  $v$  對  $H$  迴歸之殘差平方和，其為半正定矩陣。故得證。

由定理 3.1，當  $c_1 = \dots = c_k = c$ ，我們得到  $C = c I_{k \times k}$  且  $V_{\tilde{b}} = V_{\hat{b}}$ 。

模式(2.1)之適合度檢定可經由以下卡方統計量(chi-squared statistic)

$$\tilde{X}^2 = \sum_{i=1}^k \tilde{n}_i (\hat{p}_i - f_i(\tilde{\mathbf{b}}))^2 / f_i(\tilde{\mathbf{b}}) [1 - f_i(\tilde{\mathbf{b}})] .$$

我們可證明在(2.1)模式下， $\tilde{X}^2$  會漸近收斂到  $X_{k-s}^2$ ，

其中  $X_{k-s}^2$  為自由度  $k-s$  之卡方變數。此證明類似沈葆聖(1998)定理

2.1，故省略。

接下來，我們以一退伍軍人肺癌臨床資料闡釋此方法(參閱

Prentice (1973))。一百三十七個病人隨機給予試驗性的化療，我們

效應	df	$\hat{\mathbf{b}}$			$\tilde{\mathbf{b}}$		
		估計值	std	p-value	估計值	std	p-value
intercept	1	-4.179	0.934	0	-2.683	0.886	0.003
ADN	1	-2.483	1.001	0.013	-2.199	0.709	0.002
SM	1	-1.442	0.594	0.015	-1.328	0.575	0.021
PS	1	0.038	0.012	0.002	0.033	0.012	0.006
SQM	1	0.509	0.472	0.281	0.35	0.541	0.517
Goodness-of-fit	11			0.344			0.322

考慮兩個共變數，外科手術狀況 (PS) 和腫瘤型態 (鱗狀型 (squamous)，小型 (small) 或腺型 (adeno))。t 值設定為 180 天。9 筆資料為設限資料，其中 8 筆在 180 天前設限。我們考慮下列邏輯斯迴歸模式：

$$\log \frac{P_i}{1-p_i} = \mathbf{b}_0 + \mathbf{b}_1 PS_i + \mathbf{b}_2 SQM_i + \mathbf{b}_3 SML_i + \mathbf{b}_4 ADN_i, \quad (i = 1, \dots, 12)$$

如為鱗狀型則  $SQM_i = 1$ ，否則  $SQM_i = 0$ ；如為小型則  $SML_i = 1$ ，否則  $SML_i = 0$ ；如為腺型則  $ADN_i = 1$ ，否則  $ADN_i = 0$ ； $PS_i = 25$  對於  $PS \leq 30$ ， $PS_i = 45$  對於  $40 \leq PS \leq 50$ ， $PS_i = 65$  對於  $60 \leq PS \leq 70$ ， $PS_i = 85$  對於  $PS \geq 80$ 。族群依據外科手術狀況和腫瘤型態區分為 12 個子族群。我們計算  $\hat{\mathbf{b}}$  和  $\tilde{\mathbf{b}}$  估計值。表 1 列出迴歸參數估計，自由度(df)，標準差(std)，以及適合度檢定之 p-values。

表 1.  $\hat{\mathbf{b}}$  和  $\tilde{\mathbf{b}}$  之邏輯斯迴歸分析；t=180 天

表 1 顯示 ADN, SM 和 PS 皆顯著(注意到依據  $\hat{b}$  所計算之 p-value 是不正確的, 而依據  $\tilde{b}$  所計算之 p-value 是正確的, 為 0.322)。由於依據  $\tilde{b}$  所計算的 p-value=0.322, 表示此邏輯斯迴歸模式是合適的。

#### 第四章 模擬結果

本章中, 我們以模擬比較  $\hat{b}$  和在  $\tilde{b}$  有限樣本下的表現。樣本數  $n$  設為 100, 當  $j \leq 25$ , 共變  $Z_j$  設為 0, 當  $25 < j \leq 50$  設為 1, 當  $50 < j \leq 75$ , 設為 2, 當  $j > 75$  設為 3。  $T_j (j = 1, \dots, n)$  為指數分配 (exponential distribution) 具期望值 1。在此設定下, 我們考慮  $p_i = P(T_j \geq 1 | Z_j = i)$  ( $i = 0, 1, 2, 3$ ) 之邏輯斯迴歸模式:

$$\log \frac{p_i}{1-p_i} = \mathbf{b}_0 + \mathbf{b}_1 Z_i$$

$\mathbf{b}_1$  真正值設為 0 , 而  $\mathbf{b}_0$  真正值設為  $\log(e^{-1}/[1-e^{-1}]) = -0.541$ 。設限變數為均勻分配(uniform distributions)  $U(\mathbf{d}Z_i, 1+\mathbf{d}Z_i)$ 。選擇  $\mathbf{d} = 0.2, 0.4, 0.6$  和  $0.8$  依此函蓋嚴重到輕微設限。模擬重覆 10000 次。表 2 顯示兩估計值之設限比例(表為  $p^*$ ) , 偏差(biases) , 標準差(std)和均方差(mean squared errors (mse))。

表 2.  $\hat{\mathbf{b}}_0$  和  $\tilde{\mathbf{b}}_0$  之模擬結果

$\mathbf{d}$	$p^*$	Bias		Std		Mse	
		$\hat{\mathbf{b}}_0$	$\tilde{\mathbf{b}}_0$	$\hat{\mathbf{b}}_0$	$\tilde{\mathbf{b}}_0$	$\hat{\mathbf{b}}_0$	$\tilde{\mathbf{b}}_0$
0.2	0.395	-0.018	0.102	0.766	0.678	0.587	0.471
0.4	0.258	-0.014	0.018	0.61	0.586	0.372	0.343
0.6	0.175	-0.015	-0.006	0.557	0.548	0.31	0.301
0.8	0.123	-0.017	-0.015	0.527	0.525	0.278	0.276

$p^*$  : 設限比例 (根據模擬計算而得到的值)

表 3.  $\hat{b}_1$  和  $\tilde{b}_1$  之模擬結果

$d$	$p^*$	Bias		Std		Mse	
		$\hat{b}_1$	$\tilde{b}_1$	$\hat{b}_1$	$\tilde{b}_1$	$\hat{b}_1$	$\tilde{b}_1$
0.2	0.395	0.003	-0.029	0.251	0.228	0.064	0.053
0.4	0.258	0.002	-0.007	0.212	0.205	0.045	0.042
0.6	0.175	0.002	-0.001	0.197	0.195	0.039	0.038
0.8	0.123	0.003	0.002	0.19	0.19	0.036	0.036

從表 2 和表 3，我們觀察到當嚴重設限時( $d=0.2$ )， $\tilde{b}$  的偏差大於  $\hat{b}$ 。

然而， $\tilde{b}$  的標準差小於  $\hat{b}$  且隨著設限比例增加， $\tilde{b}$  的效率亦增加。所有模擬考慮的狀況， $\tilde{b}$  的均方差皆小於  $\hat{b}$ 。

## 第五章 討論

本文所提出的估計值  $\tilde{b}$ ，雖然可做為模式適合度檢定之依據，但僅適用於共變數為分類資料。此外，由於有效樣本涉及 Kaplan-Meier 變方估計，因此，在樣本數不夠大的情況下， $\tilde{b}$  未必優於  $\hat{b}$ 。後續的研究應著重於：如何在共變數為連續資料下，診斷模式的合適與否。